

CARTERA DE PRESTACIONES DE PATOLOGÍA MOLECULAR

FISH

FISH EN TUMORES LINFOPROLIFERATIVOS

TRASLOCACIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA (días lab)
FISH LSI ALK (2p23) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53205J89-001	7
FISH LSI BCL6 (3q27) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53201N23-020	7
LSI REOR BCL2 (18Q21) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53205N51-020	7
LSI CCDN1 (11Q13) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53205N38-020	7
LSI MALT1 (18Q21) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53205N48-020	7
LSI REOR MYC (8q24) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53201N63-020	7

FISH EN TUMORES SÓLIDOS

DELECCIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
LSI 1p36/1q25 y 19q13/19p13	vysis/abbott	53232-231004	7
LSI 1p36 Microdeletion	vysis/abbott	30-231011	7

AMPLIFICACIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
LSI EGFR (erb-1) CEP 7	vysis/abbott	53232-191053	7
LSI HER2/NEU SPECTRUM/CEP 17	vysis/abbott	53230-161060	7
ON C-MET (7q31)/SE 7	Kreatech	KBI-10719	7
ON FGFR1 (8p12) Break	Kreatech		7
FGFR2 (10q26)/SE10	Kreatech		7
FGFR4 (5q35)/5q11,2	Kreatech		7

TRASLOCACIÓN

DESCRIPCIÓN	CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
LSI SYT (18q 11.2) BREAK APART	vysis/abbot	03N61-020	7
FISH LSI ALK (2p23) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	53205J89-001	7
LSI DDIT3 (12q13) DUAL COLOR BREAK APART	vysis/abbott	03N57-020	7
LSI EWSRI (22q12) BREAK APART	vysis/abbott	03N59-020	7
MELANOMA MULTIPROBE SET (RREB1, CCDN1, MYB, CEP6)	vysis/abbot	53201N89-020	7
ON RET (10q11) Break	Kreatech	KBI-10753	7
ON ROS1 (6q22) Break	Kreatech	KBI-10752	7
ON FGFR3/IGH t(4;14) Fusion	Kreatech		7

PCR

DESCRIPCIÓN		CASA COMERCIAL	REFERENCIA	PLAZO DE RESPUESTA
MUTACIONES GEN BRAF V600		roche	5985595190	7
Mutaciones:	Exón 15: V600E/V600K/V600E			
MUTACIONES DEL GEN DEL EGFR		roche	7248563190	7
Mutaciones:	<p>Exón 18: 2155 G>A, 2155 G>T, 2156 G>C</p> <p>Exón 19: 2235_2249del15, 2236_2250del15, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2256del18, 2239_2251>C, 2237_2251del15, 2237_2255>T, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2253del15, 2239_2247del9, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2254del18, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2233_2247del15, 2253_2276del24, 2235_2248>AATTC, 2237_2252>T, 2235_2251>AATTC, 2235_2255>AAT, 2237_2253>TTGCT, 2237_2257>TCT, 2238_2252del15, 2239_2256>CAA, 2240T>C</p> <p>Exón 20: 2303 G>T, 2369 C>T, 2319_2320insCAC, 2310_2311insGGT, 2307_2308ins9GCCAGCGTG, 2309_2310AC>CCAGCGTGGAT, 2311_2312ins9GCGTGGACA</p> <p>Exón 21: 2573 T>G, 2573_2574TG>GT</p>			
MUTACIONES DEL GEN DEL EGFR		Qiagen Iberia	870111	7
Mutaciones:	<p>Exón 18: 2156G>C, 2155G>A, 2155G>T</p> <p>Exón 19: 2235_2249del15, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2251del15, 2237_2254del18, 2237_2255>T, 2236_2250del15, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2247del9, 2239_2253del15, 2239_2256del18, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2251>c</p> <p>Exón 20: 2369C>T, 2303G>T, 2307_2308ins9, 2319_2320insCAC, 2310_2311insGGT.</p> <p>Exón 21: 2573T>G, 2582T>A</p>			
MUTACIONES GEN K-RAS		roche	5366216190	7
Mutaciones:	<p>Exón 2 Codón 12: 34G>T, 34G>A, 34G>C, 35G>T, 35G>A, 35G>C Codón 13: 37G>T, 37G>A, 37G>C, 38G>A, 38G>C, 38G>T.</p> <p>Exón 3 Codón 61: 181C>A, 181C>G, 182A>C, 182A>G, 182A>T, 183A>C, 183A>T</p>			

Therascreen KRAS RGQ	Qiagen Iberia	870011	7
Mutaciones:	Exón 2 Codón 12: G12A, G12D, G12R, G12C, G12S, G12V Codón 13: G13D		
Therascreen KRAS PYRO	Qiagen Iberia	971460	7
Mutaciones:	Exón 2 Codón 12: G12D, G12V, G12C, G12S, G12A, G12R Codón 13: G13D Exón 3 Codón 59: A59T, A59G Codón 61: Q61H, Q61L, Q61R, Q61E Exón 4 Codón 117: K117N Codón 146: A146T, A146P, A146V		
Therascreen NRAS PYRO	Qiagen Iberia	971460	7
Mutaciones:	Exón 2 Codón 12: G12S, G12C, G12R, G12D, G12V, G12A Codón 13: G13S, G13C, G13R, G13D, G13V, G13A Exón 3 Codón 59: A59T, A59G Codón 61: Q61K, Q61R, Q61L, Q61H, Q61Q Exón 4 Codón 117: K117N Codón 146: A146T, A146P, A146V		
KIT DE MUTACIONES DEL GEN DEL PI3K exones 1, 4, 7, 9 y 20	Roche	6523013190	7
Mutaciones:	R88Q, N345K, C420R, E542K, E545X (E545A, E545D, E545G, or E545K), Q546X (Q546E, Q546K, Q546L, or Q546R), M1043I, H1047X (H1047L, H1047R, or H1047Y), G1049R.		
Mutación D865N en NFKB2	SIGMA/Roche		7
Mutación R175H en TP53	SIGMA/Roche		7
Mutación D355N en SMAD4	SIGMA/Roche		7
Mutación D661E en NOTCH2	SIGMA/Roche		7
Mutación E307K en PTEN	SIGMA/Roche		7
Mutación L265P en MYD88	SIGMA/Roche		7
Reordenamientos gen IGH (Secuencias FR1, FR2, FR3)	SIGMA		7
Reordenamientos gen TCR (Secuencias Beta)	SIGMA		7
Reordenamientos gen TCR (Secuencias Gamma)	SIGMA		7
Reordenamientos Cadenas Ligeras (K, Kdel, L)	SIGMA		7
Mutaciones puntuales en HER2 por pirosecuenciación	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	S310F, R678Q, L755S, V777L, V842I		
Mutaciones puntuales en HER3 por pirosecuenciación exón 3, 8 y 9	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Exón 3: M91I, V104M/L, D297Y/N/V, E332K		
Presencia de mutación EGFR Viii exones del 1 al 8 en mRNA	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Unión exón 1 con el 8 : GGT		
Mutaciones en c-MET por pirosecuenciación exón 19	SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Y1253D, Y1248C, T1275I		

Mutaciones puntuales en IDH-1 por pirosecuenciación		SIGMA/Qiagen		7
Mutaciones:	Codón 132 G395A, C394A, C394T, C394G, G395T, C394G, G395T			
Therascreen MGMT PYRO KIT metilación		Qiagen Iberia	971061	7
Mutaciones PDGFRA		Qiagen Iberia	971510	7
Mutaciones:	Exón 18 2525A>T, 2524G>T, 2524_2535del12, 2526_2537del12, 2527_2538del12, 2528_2539del12, 2530_2541del12, 2524_2532del9, 2524_2526delGAC, 2526_2538>G 2524_2526GAC>TAT			
Mutaciones CKIT				
Mutaciones:	Exón 9: 1509_1510insGCCTAT	Qiagen	971510	7
	Exón 11: Secuenciación Sanger			7
	Exón 17: D816V	AmoyDx	ADx-CK01/	7
Expresión de SPARC		SIXMEX		7
Expresión ALDH1A1		SIGMA		7
Expresión ERCC1		SIGMA		7
Inestabilidad de Microsatélites		SIGMA		7
Genotipado del Virus de HPV		GENOMICA	AT-0115-16/CS-0215-16	7
Genotipos:	6, 11, 16, 18, 26, 31, 33, 35, 39, 40, 42, 43, 44, 45, 51, 52, 53, 54, 56, 58, 59, 61, 62, 66, 68a y b, 70, 71, 72, 73, 81, 82, 83, 84, 85 y 89			
ONCOPANEL - TRUSIGHT TUMOR 26		Illumina	FC-130-2001	21
Genes	AKT1, ALK, APC, BRAF, CDH1, CTNNB1, EGFR, ERBB2, FBXW7, FGFR2, FOXL2, GNAQ, GNAS, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, MSH6, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, SMAD4, SCR, STK11			
BIOPSIA LÍQUIDA				
EGFR COBAS	Exón 18: 2155 G>A, 2155 G>T, 2156 G>C Exón 19: 2235_2249del15, 2236_2250del15, 2240_2257del18, 2240_2254del15, 2239_2256del18, 2239_2251>C, 2237_2251del15, 2237_2255>T, 2239_2248TTAAGAGAAG>C, 2239_2253del15, 2239_2247del9, 2235_2252>AAT, 2236_2253del18, 2237_2254del18, 2238_2255del18, 2238_2248>GC, 2238_2252>GCA, 2239_2258>CA, 2240_2251del12, 2233_2247del15, 2253_2276del24, 2235_2248>AATTC, 2237_2252>T, 2235_2251>AATTC, 2235_2255>AAT, 2237_2253>TTGCT, 2237_2257>TCT, 2238_2252del15, 2239_2256>CAA, 2240T>C Exón 20: 2303 G>T, 2369 C>T, 2319_2320insCAC, 2310_2311insGGT, 2307_2308ins9GCCAGCGTG, 2309_2310AC>CCAGCGTGGAT, 2311_2312ins9GCGTGGACA Exón 21: 2573 T>G, 2573_2574TG>GT	Roche	7248563190	14
RAS OncoBEAM	codón 12, 13, 59, 61, 117, 146	SYSMEX	ZR150048	14